LIFESCIENCE-AKADEMIE
DR. BICHLMEIER

Online Live
19.03.2026
15.10.2026
9 - 17 Uhr
575,- €
zzgl. MwSt.

Massenspektrometrische Datenanalyse

Ein Leitfaden für angehende Laborprofis!

Zielgruppe

- Wissenschaftler und Labormitarbeitende mit LC-MS (teilweise auch GC-MS) Erfahrung
- Anwender/innen, die Massenspektren auswerten und interpretieren
- Einsteiger/innen und Fortgeschrittene, die mehr Sicherheit im Umgang mit MS-Daten gewinnen möchten.

Das bringt Ihnen das Seminar

- Verstehen statt Raten: Massenspektren logisch interpretieren
- Klarheit über Ionisierung, Fragmentierung und Massenanalysatoren
- Sicherheit bei der Zuordnung von Peaks, Addukten und Ladungszuständen
- Souveräne Bewertung von LC-MS(/MS)- und GC-MS-Daten
- Systematische Interpretation von MS-Daten zur Identifikation und Quantifizierung von Analyten
- Richtiger Einsatz von MS-Software und Spektrenbibliotheken
- Erkennen und Vermeiden typischer Fehler bei der MS-Auswertung
- Mehr Sicherheit und Effizienz im Laboralltag

Seminarinhalte

Einführung und Wiederholung von MS-Grundlagen

- Ionisierungsverfahren
- Welche Typen von Massenanalysatoren für welche Analyse?
- Fragmentierung
- Aufbau und Terminologie von MS-Spektren

Grundlagen der Interpretation von MS-Spektren

- Bewertung verschiedener Spektren und Peaks (Addukte, Mehrfachladungen)
- Exakte Masse und Elementarzusammensetzung
- Besonderheiten durch das Ionisierungsverfahren

Auswertung und Interpretation von MS-Daten

- Manuelle und software-gestützte Auswertung von MS-Spektren von kleinen Molekülen (Stickstoffregel, Fragmentierung) und Proteinen&Peptiden
- Abgleich mit Spektrenbibliotheken
- Interpretation von quantitativen Daten

Jetzt anmelden
info@lifescience-akademie.de
www.lifescience-akademie.de
Tel: 089 45 46 999

Dr. Maria Riedner
Leiterin MS-Technologie-plattform (UHH/UKE). Promotion in Biochemie, langjährige Erfahrung in LC-MS und Proteinanalytik.